

Biomnis, leader français de la biologie médicale spécialisée réalise un panel très large d'analyses avec plus de 2 500 paramètres disponibles. Le laboratoire se consacre, pour l'essentiel, aux analyses spécialisées, mobilisant des expertises dans tous les domaines de la biologie : allergologie, anatomopathologie, oncologie, toxicologie, mycologie, bactériologie, virologie, auto-immunité, hématologie-hémostase, hormonologie, immunologie, biologie foétale, microbiologie, génétique humaine, cytogénétique, procréation médicalement assistée, etc.

Biomnis, c'est avant tout une expertise de pointe au service des laboratoires de première intention, en ville comme à l'hôpital. Une collaboration quotidienne avec plus de 5 000 correspondants pour la réalisation des analyses spécialisées qui lui sont confiées. Avec 1200 collaborateurs, répartis sur nos deux plateformes multidisciplinaires spécialisées (Lyon et Paris), ce sont 20 000 dossiers de patients enregistrés quotidiennement et 40 000 analyses effectuées chaque jour, dont 80% des résultats sont disponibles dès le lendemain.

Dans le cadre d'un CDD de 12 mois à compter du 04/01/2016, notre département Génétique de Lyon recherche un :

## **Bioinformaticien (H/F)**

### **MISSIONS ET RESPONSABILITES**

Rattaché(e) au Responsable du département de Génétique et en collaboration avec les biologistes et scientifiques, vous assurez l'analyse des données en masse générées à partir du séquençage haut débit. Ces données sont essentiellement, mais pas uniquement, issues de séquençage nouvelle génération (analyse de variants, gestion de base de données etc.).

Le développement et l'optimisation de scripts, outils et pipelines constitue une part importante du travail.

Dans le cadre de ces activités en constante évolution, vous êtes amené(e) à acquérir la maîtrise de nouveaux outils et méthodes.

### **PROFIL**

Ingénieur, titulaire d'un PhD, ou d'un Master avec spécialisation en bio-informatique, vous avez impérativement de bonnes connaissances en analyse de données générées par le séquençage haut débit ainsi qu'une expérience significative de programmation avec le langage R.

La maîtrise des différents outils bio-informatiques, de méthodes d'analyse de données, de l'environnement linux/Unix et d'un langage de script est indispensable.

Enfin, vous avez une première expérience en analyse de données NGS.

Vous disposez d'une bonne culture générale scientifique en biologie moléculaire et génétique. Autonome, vous savez néanmoins travailler en équipe.

Une bonne pédagogie et de fortes aptitudes à communiquer par oral et par écrit (reporting) sont essentielles.

Rémunération: selon profil et expérience.

### **REJOIGNEZ-NOUS !**

Si ce poste vous intéresse, adressez votre candidature à l'adresse [recrutement.lyon@biomnis.com](mailto:recrutement.lyon@biomnis.com), à l'attention de Mme Monleau.